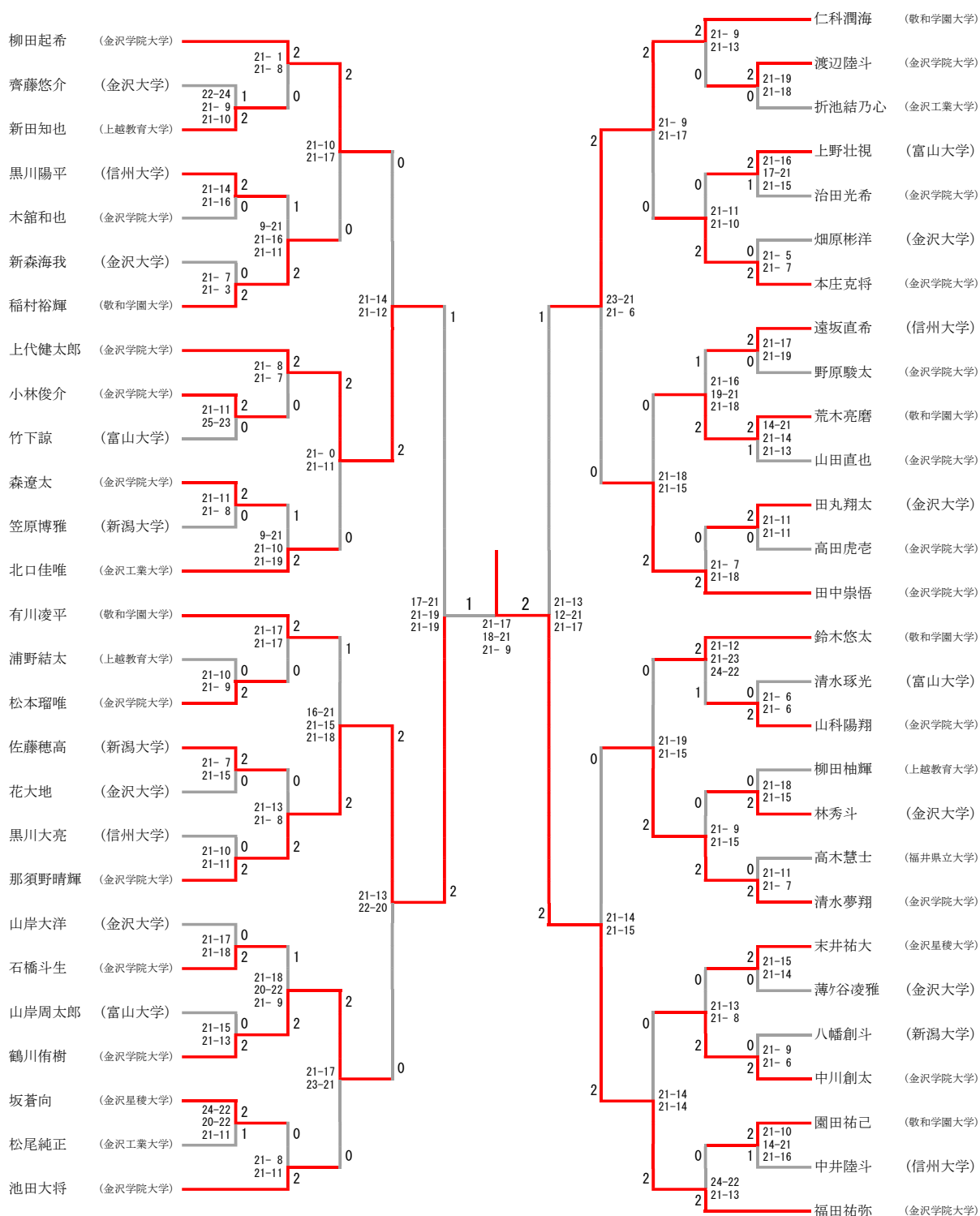
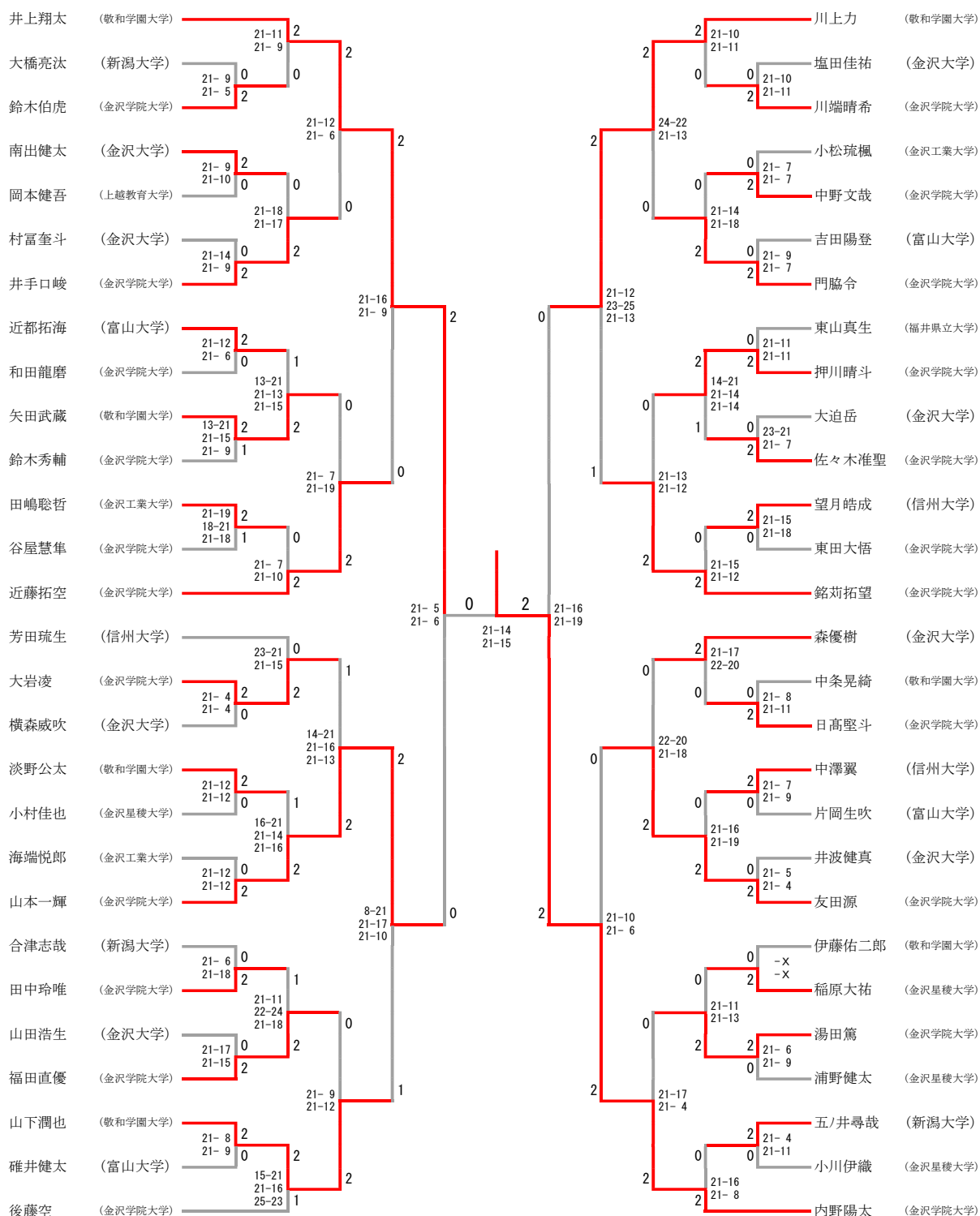


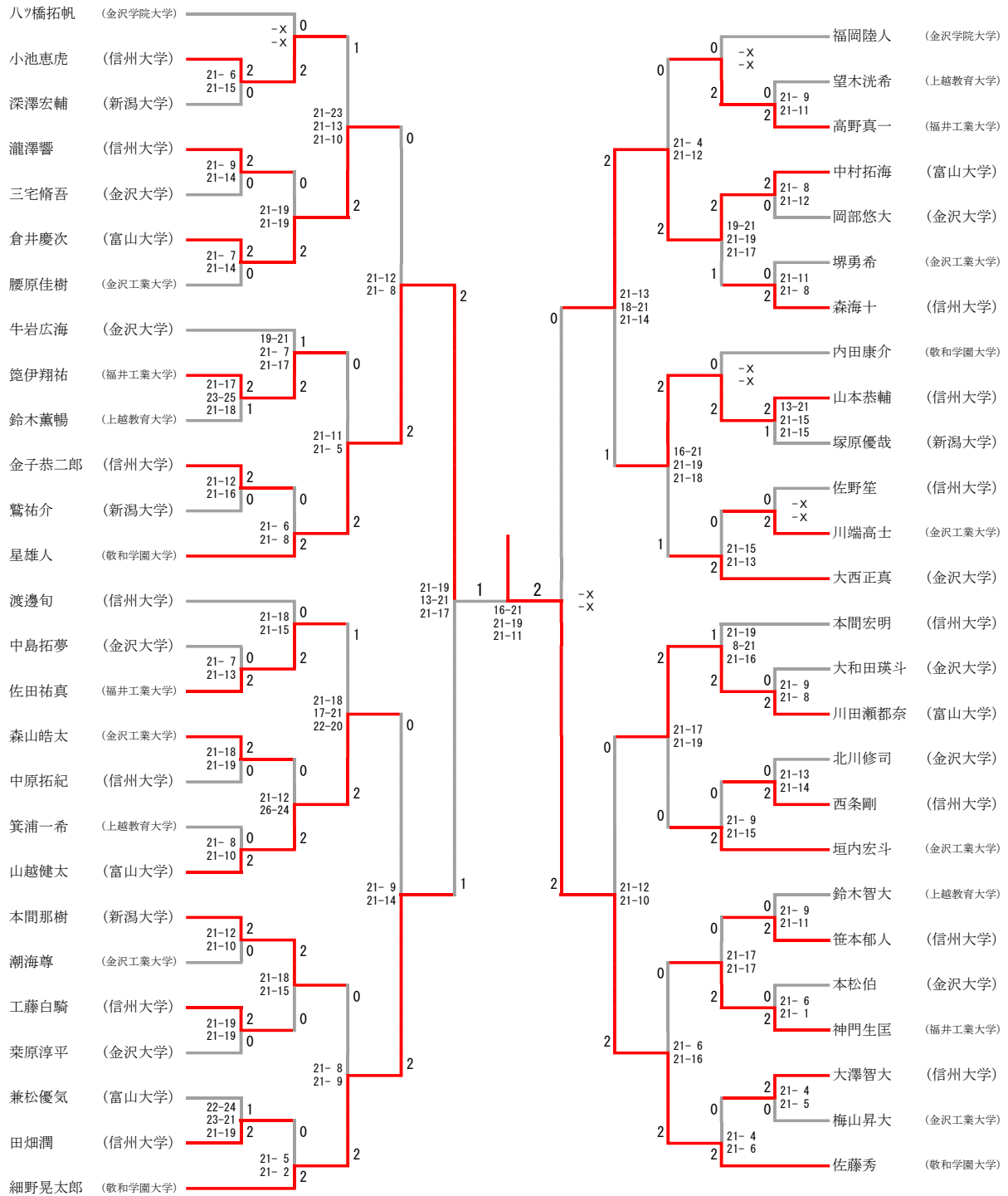
男子シングルスAクラス (1/2)



男子シングルスAクラス (2/2)



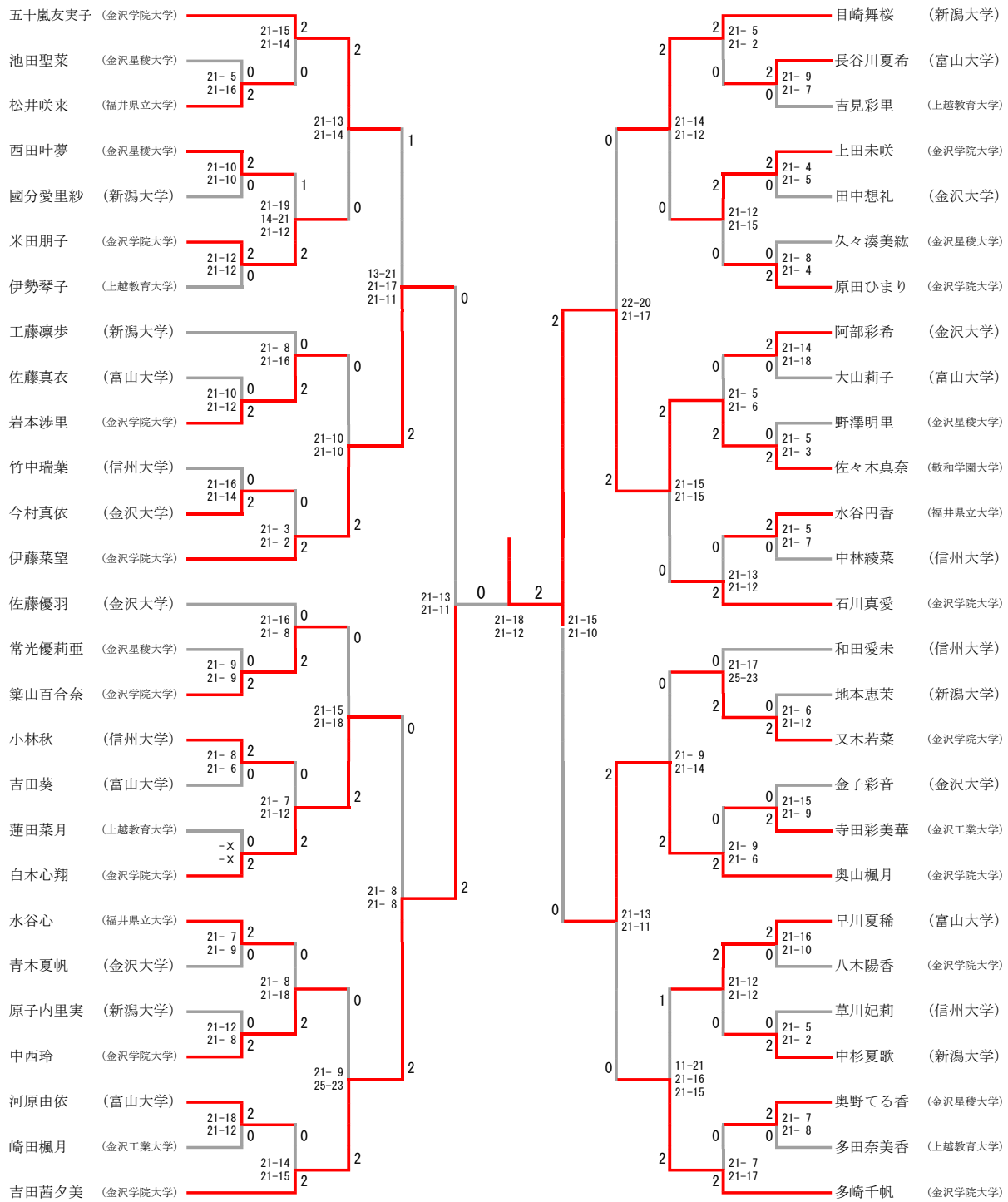
男子シングルスBクラス



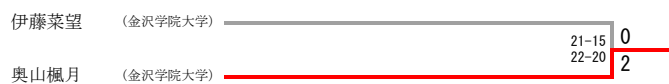
三位決定戦



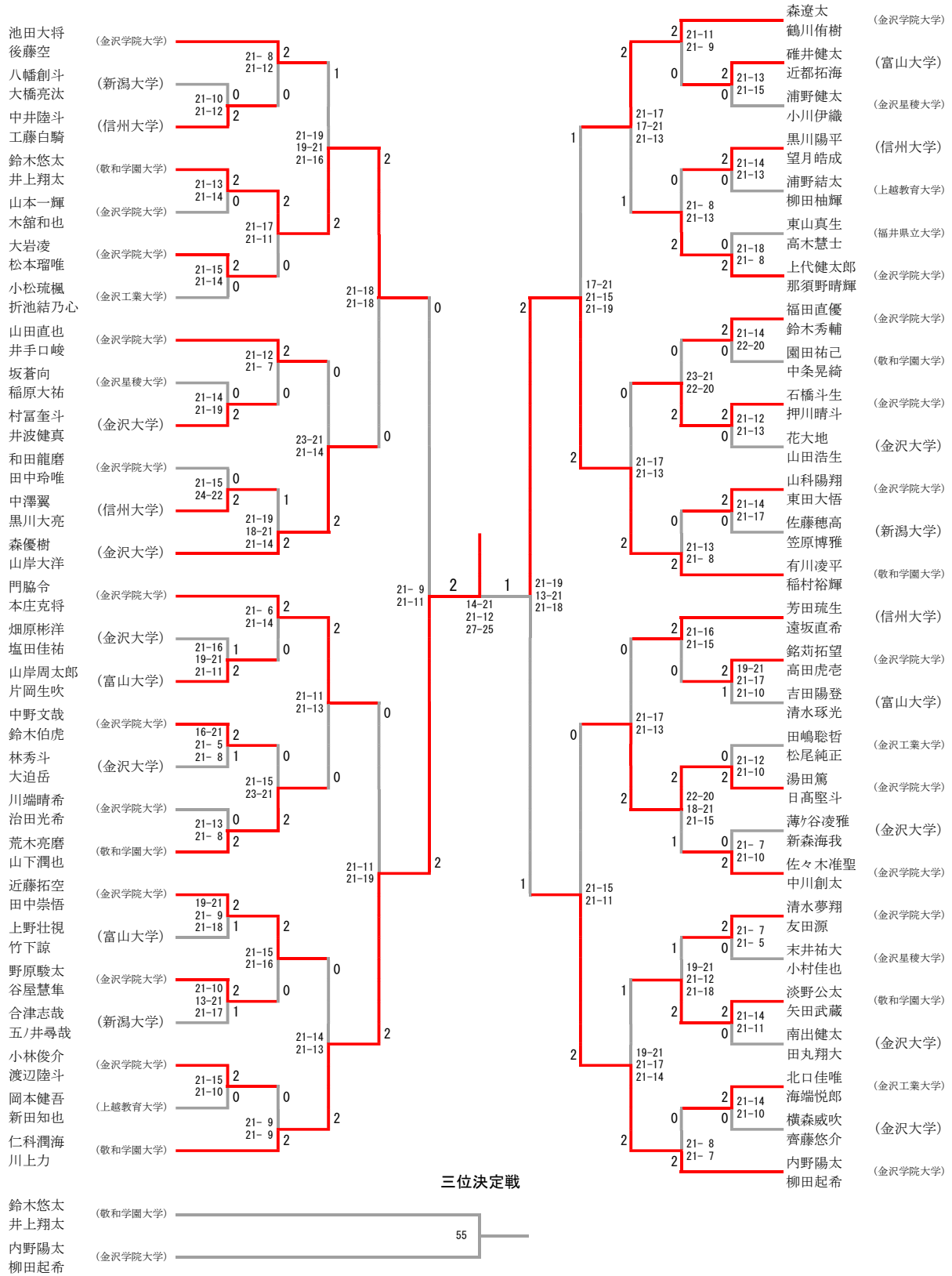
女子シングルスAクラス



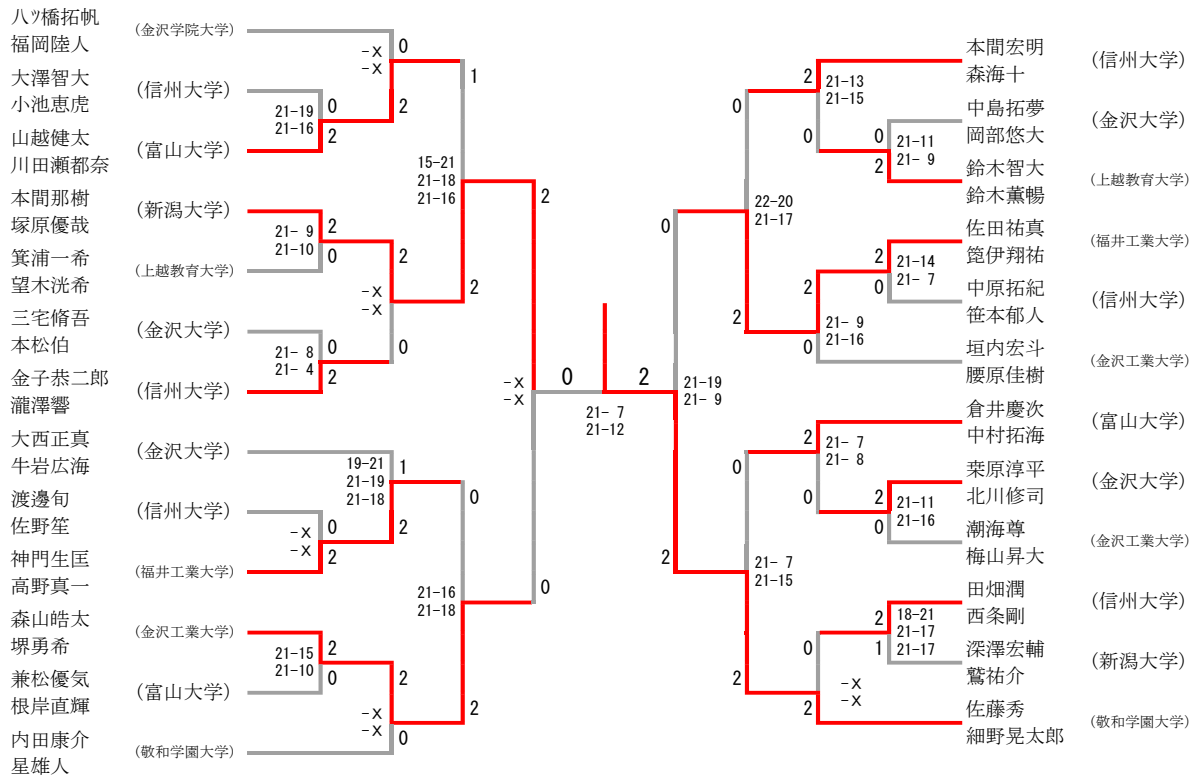
三位決定戦



男子ダブルスAクラス



男子ダブルスBクラス



女子ダブルスAクラス

Figure 1. Phylogenetic tree of the 21S rRNA gene sequences of *Staphylococcus* strains. The tree is rooted at the top left. Bootstrap values are shown at the nodes. The scale bar represents 0.01 substitutions per site. The strains are grouped into clusters based on their phylogenetic relationships. The strains are listed on the left and right sides of the tree, with their corresponding institutions in parentheses. The tree shows a high degree of genetic similarity among the strains, with many clusters having bootstrap values of 100.

三位決定戦

白木心翔	(金沢学院大学)			
石川真愛		21-19	1	
		14-21		
五十嵐友実子		21-16	2	
伊藤菜望	(金沢学院大学)			